

58  
genes

SNVs,  
inserciones y  
delecciones

# Encuentra respuestas en la sangre de tu paciente

Biopsia líquida dirigida para todos  
los tipos de tumores sólidos  
avanzados que te ayudará en la  
elección del tratamiento

Promotor TERT

SPLICING inusual

Translocaciones  
de genes



**OncoSELECT™**  
by OncoDNA

# ¿POR QUÉ ELEGIR ONCOSELECT®?

OncoSELECT® te ayuda a seleccionar la estrategia de tratamiento óptima en todo tipo de tumores sólidos en estadio avanzado, con tan solo dos tubos de sangre. Este estudio asocia a cada paciente el tratamiento dirigido, terapia hormonal y potencial ensayo clínico adecuado para mejorar sus resultados clínicos. Confía en esta prueba de biomarcadores para diseñar rápidamente planes de tratamiento personalizados para tu paciente.

## ¿EN QUÉ CASOS ONCOSELECT® ES ÚTIL?

Cuando no es posible obtener una biopsia del tumor de tu paciente, o cuando la muestra de tejido es demasiado antigua o escasa para detectar en ella biomarcadores, OncoSELECT® es la alternativa perfecta para facilitar tus decisiones clínicas gracias a un análisis del ADN tumoral circulante en sangre de una forma **rápida** y mínimamente **invasiva**.

OncoSELECT® puede utilizarse **en todos los tipos de tumores sólidos en adultos** en estadios III y IV cuando:

- El paciente está recibiendo terapia neoadyuvante. OncoSELECT® puede utilizarse para informar sobre la **respuesta del paciente al tratamiento**.
- El paciente ha dejado de responder al tratamiento. OncoSELECT® puede utilizarse tras una línea de tratamiento para **conocer si el paciente ha desarrollado resistencia al mismo**.
- El análisis de la biopsia sólida muestra que el paciente presenta un genotipo normal para genes específicos relacionados con su tipo de cáncer. OncoSELECT® puede utilizarse antes de la primera línea de tratamiento para **determinar la heterogeneidad de la enfermedad**.

### Hombre de 63 años con cáncer de próstata (CPRcm) en estadio IV, con metástasis en pulmón, ganglio linfático y hueso

OncoSELECT permitió identificar la variante **AR V890M** responsable de la falta de respuesta al tratamiento hormonal previo. Adicionalmente, la detección de una mutación en **BRCA2** y **ATM** permitieron la prescripción de **olaparib** mostrando una respuesta completa, sin recaídas en los últimos 6 meses.

### Hombre de 55 años no fumador con carcinoma de pulmón no microcítico (CPNM) metastásico.

La muestra obtenida en la biopsia pulmonar fue insuficiente y el oncólogo decidió realizar un estudio en biopsia líquida. El paciente recayó mientras era tratado con erlotinib. Gracias a OncoSELECT se detectó la variante **T790M** en el gen **EGFR** que ayudó al oncólogo a elegir **osimertinib** como pauta, el cual mostró buenos resultados sin recaídas.

### Mujer de 43 años con cáncer de mama RH+ en estadio IV con recaída reciente.

En este caso el oncólogo recurrió a OncoSELECT ya que no era posible obtener una biopsia sólida. Gracias a este análisis se identificaron las mutaciones: **L536Q** en el gen **ESR1** y **E545K** en el gen **PIK3CA**. De acuerdo con los biomarcadores detectados se eligió alpelisib en combinación con **fulvestrant** como pauta terapéutica. La paciente respondió al tratamiento sin recaídas durante los últimos 6 meses.

## PANEL DE GENES

### Exones completos

|        |       |        |
|--------|-------|--------|
| APC    | FBXW7 | PIK3CA |
| ARID1A | FGFR2 | PTEN   |
| ATM    | FGFR3 | RET    |
| BRCA1  | H3F3A | SMAD4  |
| BRCA2  | HRAS  | SMO    |
| CCND1  | KRAS  | STK11  |
| CCNE1  | MET   | TP53   |
| ERBB2  | NRAS  | VHL    |
| PALB2  |       |        |

### HOTSPOTS

|        |       |        |
|--------|-------|--------|
| AKT1   | ESR1  | MPL    |
| ALK    | EZH2  | mTOR   |
| AR     | GNA11 | NF1    |
| ARAF   | GNAQ  | NTRK1  |
| BRAF   | GNAS  | POLE   |
| CTNNB1 | IDH1  | PDGFRA |
| DDR2   | IDH2  | ROS1   |
| EGFR   | KIT   |        |

### Genes asociados a translocaciones

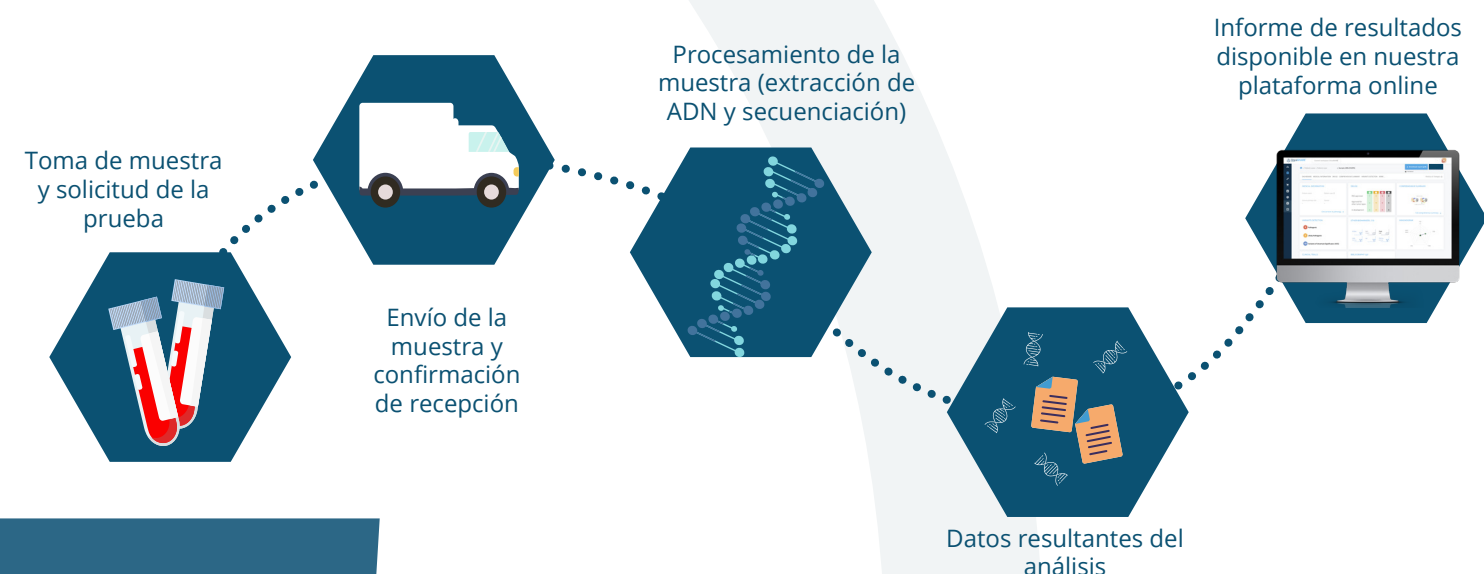
|       |       |       |
|-------|-------|-------|
| ALK   | ETV5  | MET   |
| BRAF  | ETV6  | NRG1  |
| BRCA1 | EWSR1 | NTRK1 |
| BRCA2 | FGFR1 | NTRK2 |
| CD74  | FGFR2 | RAF1  |
| EGFR  | FGFR3 | RET   |
| ETV4  | KIT   | ROS1  |

### Genes asociados a SPLICING inusual

|       |
|-------|
| BRCA1 |
| BRCA2 |
| MET   |

## ONCOSELECT® PASO A PASO

Nuestro equipo estará a su completa disposición durante todo el proceso para asistirle en relación a la utilidad de la prueba para su paciente, facilitar el proceso de toma de muestra y la comprensión de los resultados detallados en el informe final.



# INFORME ONCOSELECT®

El informe de resultados de OncoSELECT te ayuda a **identificar mecanismos de resistencia y a optimizar estrategias de tratamiento.**

El informe:

- Contiene la información médica del paciente (diagnóstico, tipo de tumor, fase de la enfermedad, fecha de toma de muestra...)
- Muestra las variantes accionables y su clasificación terapéutica y biológica de acuerdo con las directrices ACMG/AMP
- Muestra la susceptibilidad del paciente a tratamientos dirigidos o terapias hormonales
- Recoge todos los ensayos clínicos disponibles con información detallada sobre la fase de desarrollo del tratamiento y su beneficio clínico para el paciente.

The screenshot displays the OncoSHARE web application interface. At the top, the OncoSHARE logo and 'Current workspace: OncoSHARE' are visible. The main navigation bar includes links for 'Patient cases', 'Patient case 20211209-12', and 'Sample (PDPCC2YV)'. A 'Download report (pdf)' button and 'OncoSELECT 1.1/23/21' version information are also present. The interface is divided into several sections:

- MEDICAL INFORMATION:** Displays patient name (Santiago Serrano), patient case ID (20211209-12), cancer primary site (Non-small-cell lung cancer), and a link to 'Clinical form & pathology'.
- DRUGS:** A table showing drug status across four categories: Approved (6), Approved for other tumor types (0), In development (0), and a fourth category (0).
- COMPREHENSIVE SUMMARY:** A text block summarizing the findings, mentioning an EGFR L858R variant and its association with increased cancer cell invasive ability and MPE formation.
- VARIANTS DETECTION:** A section showing the number of variants detected: 1 Pathogenic, 0 Likely Pathogenic, and 0 Variants of Uncertain Significance (VUS).
- CLINICAL TRIALS:** A section showing the number of clinical trials: 0 clinical trials and 0 clinical trials in Ukraine.
- BIBLIOGRAPHY (2):** A list of references, including a study by Tsai MF, Chang TH, Wu SG, et al. (2015 Sep 4) titled 'EGFR-L858R mutant enhances lung adenocarcinoma cell invasive ability and promotes malignant pleural effusion formation through activation of the CXCL12-CXCR4 pathway'.

Contacta con nosotros para contarnos el caso.



OncoDNA-BioSequence

[spain\\_support@oncodna.com](mailto:spain_support@oncodna.com) +34 96 071 91 34